



Ideas & Chemistry

BamH I

Code No. BAH-111Lot No. *****

Size : 12,000 units

Source : *Bacillus subtilis* MT-2 (pBamH I RM22)

Concentration : ** units/μl

Unit Definition : One unit is defined as the amount of enzyme required to completely digest 1 μg of λ-DNA in 1 hr at 37°C in 50 μl of assay buffer.

Storage Buffer : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
50 mM KCl
1 mM Dithiothreitol
0.1 mM EDTA
500 μg/ml Bovine serum albumin
50 %(V/V) Glycerol

Assay Buffer : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
7 mM MgCl₂
150 mM KCl
7 mM 2-Mercaptoethanol

Reaction Buffer (Attached) : H Buffer (x10 Concentration)
500 mM Tris-HCl(pH7.5)
100 mM MgCl₂
1,000 mM NaCl
10 mM Dithiothreitol

Overdigestion : When 19 units of enzyme was incubated with 1 μg of λ-DNA for 16 hrs at 37 °C in 50 μl of assay buffer, a normal and sharp pattern was shown on an agarose gel electrophoresis.

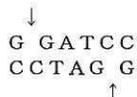
Ligation and Recutting : After digestion of pBR322 by 6 units of enzyme for 16 hrs at 37°C, 90 % of the fragment was ligated with T4 DNA Ligase. 95 % of the ligated DNA could be recut under the standard conditions.

Note : ① Compatible cohesive ends: Bcl I , Bgl II , Mbo I , Sau3A I , Xho II
② Star activity: under high enzyme concentration, low salt concentration.
③ Enzyme quantity cutting each DNA [1μg]

| λ-DNA | pBR322 | pUC19 | M13mp18 | (U) |
|-------|--------|-------|---------|-----|
| 1 | 2 | 3~5 | 3~5 | |

Store at -20°C

Recognition Sequence



Ideas & Chemistry

BamH I

Code No. BAH-111Lot No. *****

包装 : 12,000 units

起源 : *Bacillus subtilis* MT-2 (pBamH I RM22)

濃度 : ** units/μl

活性の定義 : 下記反応液組成において、反応液量 50 μl, 37°C, 60 分間に基質 λ-DNA 1 μg を完全に分解するために必要な酵素量を 1 単位とする。

形状 : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
50 mM KCl
1 mM Dithiothreitol
0.1 mM EDTA
500 μg/ml Bovine serum albumin
50 %(V/V) Glycerol

反応液組成 : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
7 mM MgCl₂
150 mM KCl
7 mM 2-Mercaptoethanol

添付バッファー : Hバッファー (10 倍濃度)
500 mM Tris-HCl(pH7.5)
100 mM MgCl₂
1,000 mM NaCl
10 mM Dithiothreitol

過剰テスト : 19 units の本酵素を上記反応条件にて 16 時間反応させても DNA フラグメントの電気泳動パターンに変化は認められない。

Ligation / Recutting 効率 : 96 倍の酵素で切断した pBR322 フラグメントの 90% が T4 DNA Ligase で Ligation し、そのうち 95% が本酵素で切断される。

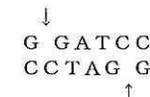
特記事項 : ① Compatible Sits: Bcl I , Bgl II , Mbo I , Sau3A I , Xho II の切断部位と連結できます。

- ②メチル化の影響: G G A T C C は切断されません。
③Star 活性: 高酵素濃度, 高 Glycerol 濃度, 低塩濃度下では認識配列が甘くなる場合があります。
④以下の DNA 1 μg の完全分解に必要な酵素量(Unit)

| λ-DNA | pBR322 | pUC19 | M13mp18 |
|-------|--------|-------|---------|
| 1 | 2 | 3~5 | 3~5 |

COSMO BIO CO., LTD.
Inspiration for Life Science

認識配列



COSMO BIO CO., LTD.

Inspiration for Life Science